

Structure génétique de quatre provenances de *Cupressus atlantica* Gaussen.

Abdelkerim BECHIR¹, Abdelhamid EL MOUSADIK¹, Khalil CHERIFI¹ & A.
TAIMI²

1 Laboratoire d'Agroforesterie, Fac. Sciences, Univ. Ibnou Zohr, BP 28/S
Agadir

2 Station régionale des semences forestières de Marrakech

Résumé

La diversité génétique de 4 populations de Cyprès de l'Atlas a été évaluée pour 5 systèmes enzymatiques (PGM, PGI, GOT, LAP et AAP). Au total, 8 loci et 18 allèles ont été dénombrés. Le nombre moyen d'allèles par locus est de 2,35. Le pourcentage des loci polymorphes est de 72%. Les coefficients moyens d'hétérozygotie observée (H_o) et attendue (H_e) sont respectivement 0,18 et 0,30 montrant un déficit généralisé d'hétérozygotie.

Au niveau inter-populations, les paramètres de différenciation génétiques ont été calculés. La différence entre l'indice de fixation à l'intérieur des populations ($FIS=0,373$) et l'indice de fixation de la population totale ($FIT= 0,435$) indique une différenciation importante entre les provenances de Cyprès de l'Atlas. Le coefficient de différenciation inter-populations ($FST= 0.099$) estimé entre les provenances du cyprès est relativement supérieure à celui trouvé ($FST = 0.073$) chez les espèces ligneuses de Gymnospermes (Hamrick *et al.*, 1992).